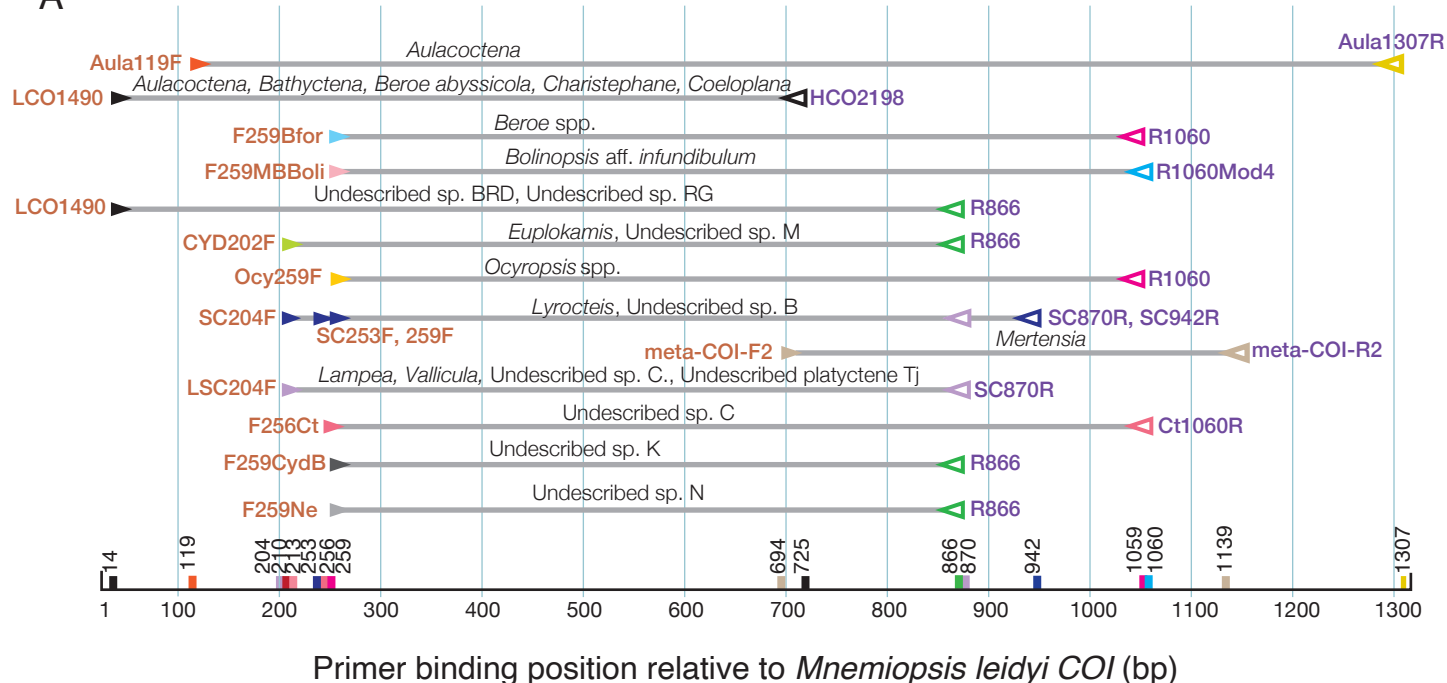


A



B

3

FORWARD

5' 14 38 3'

M. leidy TTTCTACTAATCACAAAGATATAGC

*LCO1490 ► GGTC AACAAATCAT AAAGATAT TGG

102 119

M. leidy GCGTTT TAGCTTTAGTTTGACCTTTTGC

Aula119F ► GCGTCTTTCATTAGTATGACCTTATTC

202 227

M. leidy ATGCCTTTTAGTATAGGTGGTTTATC

Cyd202F ► ATGCCTTTTWSHWTWGGNGGNTT

SC204F ► GCCTTTTTCATATGGTGTTTAGG

LSC204F ► GCCWTTTTCATATGGNGGWTTT RGG

253 281

M. leidy CATTTGGCTGATATGTGTTTACCTCGTAT

*F259 ► GCWGATATGTGTTTACCYMG

*F259Mod5 ► GCNGATATGTGYTNCNMG

F259Bfor ► GCTGATATGTGYCTTCCTAG

F259MBBoli ► GCCGATATGTGCTTGCCACG

F256Ct ► GCTGTAGATATGTTTTACCTAG

F259CydB ► ATTGATATGTGTTTACCTCG

F259Ne ► CCTGATATGTCTTGCCCTAG

F259Ocy ► GTTGATATGTGTTTGCCTCG

SC259F ► GCTGACATGTTCTTCCACGAGT

SC253F ► GGGTGTGCTGACATGTTCTTCC

694 716

M. leidy TTATTTTGGATTTTTTGGCCATCC

*meta-COI-F2 ► TTKTTYTGRTTYTTYGGNCAYCC

REVERSE

5' 725 700 3'

M. leidy TAAACTTCTGGATGGCCAAAAAATCA

*HCO2198 ◀ TAAACTTCAAGGTGACCAAAAAATCA

870 843

M. leidy CATATGATGGGCTCAAACATAACAACCT

*R866 ◀ CATRTGRTGNGCYCANACNANAC

SC870R ◀ GATGAGCTCAAACAATACAAACCT

942 913

M. leidy AGTAGGAATAGCTATGATTAAGGTAGC

SC942R ◀ GGTAGGAACCTGC AATAACATAAGTAGC

1060 1039

M. leidy TACCGGATAGACCTCCAAATGT

*R1060 ◀ ACCRGA YARGCCACCAAAAGT

*R1060Mod4 ◀ TWCCAGAYARRCCWCCAAAAGT

Ct1060R ◀ ACCAGTTACACCACCAACCTGT

1139 1117

M. leidy GATAAACGTAATGAAAATGAGC

*meta-COI-R2 ◀ GAKAAKACGTA GTRAA RTGNGC

1307 1289

M. leidy CGGGGTAAACCTCATAAAC

Aula1307R ◀ CGAGGTAAACCTCATAAAC